

RAB7) および、低発現の1遺伝子(EDG-1)の発現をリアルタイムRT-PCRで解析したところ、高発現の3遺伝子は正常肺組織に比べ癌で発現が増加しており、低発現の1遺伝子は正常肺組織に比べ癌で発現が減少していた。これらの遺伝子の発現と臨床病理因子、EGFR遺伝子変異との相関を解析したが、有意な相関を示す因子は無かった。【まとめと考察】ヒト肺腺癌細胞株PC14から多臓器転移クローンPC14Adを単離し得た。PC14Adと親株の間で、28遺伝子が10倍以上発現変動していた。4遺伝子について臨床検体での発現を解析すると正常肺組織と癌組織での発現量に差があり、これらの遺伝子は肺癌の発生、進展および転移に関与している可能性が考えられた。

2. エフェクターCD8T細胞の活性化誘導細胞死におけるFas-FasLシグナルの役割

矢島 俊樹, 八巻 英, 遠藤 秀紀
田中司玄文, 桑野 博行

(群馬大院・医・病態総合外科)

【目的】腫瘍免疫応答においてエフェクターCD8T細胞の活性化誘導細胞死(AICD)の分子機構は不明であり、これを解明し制御することはエフェクターCD8T細胞を長期に生存させる新規癌免疫療法の開発につながると考えられる。本研究では、AICDの分子機構を解明するためアポトーシス誘導において重要なFas-FasLシグナルの関与を検討した。【方法と結果】gldマウス(FasL変異マウス), lprマウス(Fas変異マウス)またはC57BL/6マウスに卵白アルブミン産生EL-4(EG.7)を皮下接種し経時に腫瘍径を測定した。腫瘍径は、接種14日目まで3群間に有意な差を認めなかつたが、それ以後では正常マウスと比較し gldマウスおよびlprマウスで有意に小さかつた。腫瘍局所、所属リンパ節または脾臓における抗原特異的CD8T細胞の割合をOVA₂₅₇₋₂₆₄H-2K^bテトラマーによる染色にて検討すると、それは接種14-17日目でピークを迎えるが3群間に有意な差はなく、21日以後では正常マウスで減少するのに対し gldマウスおよびlprマウスでは減少しなかつた。【結語】エフェクターCD8T細胞のアポトーシスにFas-FasLシグナルが重要であることが示された。今後、Fas-FasL遺伝子を制御する癌免疫療法への応用が期待される。

3. 核内受容体 PPAR γ の新規転写共役因子 PDIP1 のクローニングとそのノックアウトマウスの解析

吉野 聰, 佐藤 哲郎, 登丸 琢也
石塚 高広, 橋本 貢士, 渋沢 信行
山田 正信, 森 昌朋

(群馬大院・医・病態制御内科)

Peroxisome proliferator-activated receptor (PPAR) γ は、核内受容体スーパーファミリーに属する転写因子である。PPAR γ は、標的遺伝子のプロモーター領域に存在するPP応答領域に retinoid X receptor とヘテロダイマーを形成して結合し、リガンド依存性にその転写活性を増強することによって脂肪細胞分化促進、アディポカイン分泌調節、インスリン感受性増強、抗動脈硬化、抗腫瘍作用など生体内で多彩な機能を発揮すると考えられている。核内受容体によるリガンド依存性転写活性化には、蛋白-蛋白結合を介して受容体にリクルートされる種々の転写共役因子複合体が必須であるが、他の核内受容体に比べPPAR γ の転写共役因子として確立されたものは未だ数少ない。近年 PPAR γ のDNA結合領域(DBD)に結合し、その重要な転写共役因子として機能する PPAR γ coactivator 1 (PGC-1) α がクローニングされ、その生理的機能解析がなされているが、PGC-1 α の発現は主に脂肪細胞に限局しており、生体内における多彩な PPAR γ の作用発現には PGC-1以外の転写共役因子が関与する可能性が考えられた。そこで、私達はヒト PPAR γ のDBDをペイトとし、酵母ツーハイブリッド法を用いて PPAR γ の新規転写共役因子のクローニングを試みた。その結果、機能未知のヒトEST、KIAA1769のC末端側cDNAと100%ホモジニーを示すクローナーが得られ、同部位が PPAR γ のDBDからヒンジ領域に結合することを確認し、PPAR γ -DBD-interacting protein1 (PDIP1)と命名した。その後興味あることにPDIP1は、他のグループがラット肝臓から精製した PPAR α に結合する蛋白複合体 (PPAR α -interacting complex, PRIC)の中の一分子PRIC285と同一の蛋白であることが判明した。培養細胞を用いたtransfection系において、PDIP1はPPAR γ のみならずPPAR α のリガンド依存性転写活性化作用を増強したことからも、PDIP1がPPAR family共通の転写共役因子として機能する可能性が推察された(Endocrinology, 2006)。本研究では、このPDIP1の生理的機能を解析する目的で、ヒトPDIP1 isoformとマウスPDIP1 cDNAのクローニングを行い、更にPDIP1ノックアウトマウスの樹立に成功したので、その糖・脂質代謝異常の有無の解析結果も含めて報告する。